

38-21(52743)B

Figure 1

Alignment Of Conserved Amino Acid Sequences

SEQ ID NO:7	AKPPIIVTRDSPNALRSHVLEVPAGDIVESVYARRRGRGVSVLGGNGTVSNVTLRQ	VVTLHGRFEIILSLTGTVLPPAPPAGGGLTFLAGGQGV
SEQ ID NO:8	PKPPTIITRDSFNLRSRSHVLEVTSGSDISEAVSYATRRGGVCIIISGTGAVTNVTLRQ	VITLHGRFDIILSLTGTALPPAPPAGGGLTFLAGGQGV
SEQ ID NO:9	PKSPIIVARDSFNLRSRSHVLEIISGSDIVDSVWGYARRRGRGVSVLGGNGTVSNVTLRQ	VVTLHGRFEIILSLTGTSLPPAPPAGGGLTFLAGVQGV
SEQ ID NO:10	PKPPIIVTRDSPNALRSHVLEVAGGADVDCVAYARRRGRGVSVLGGGAVVVALRQ	VATLRGRFEIILSLTGTVLPPAPPAGGGLTFLSGGQGV
SEQ ID NO:11	-K-P-I--RDSFN-L-SHVLE---G-D-----V--YA-RRG-GV-----G-G-V-WV--RQ-----V-TL-GRF-ILSLGT-LPPAPPCA-GL---LAG-QGV	